

# CANADA – Contamination d'outils de recherche

Par Eric MEUNIER

Publié le 28/02/2006

Selon le Pr. Perron de l'Agence canadienne d'inspection alimentaire, des gènes de résistance aux antibiotiques Bla, tet et NptII, couramment utilisés dans les PGM, peuvent contaminer les solutions de l'enzyme Taq polymérase disponibles commercialement et issues de bactéries GM sélectionnées par les mêmes résistances aux antibiotiques que les PGM [1]. Cette enzyme est utilisée dans les analyses PCR comme pour la détection et la quantification de présence de PGM dans des produits. A. Person recommande donc de décontaminer les solutions d'enzyme Taq utilisée, avant analyse, faute de quoi les résultats de PCR pourraient être erronés.

---

[1] "The occurrence of antibiotic resistance genes in Taq polymerases and a decontamination method applied to the detection of genetically modified crops", A. Perron et al., Biotechnol Lett. 2006 Mar ;28(5):321-5

---

Adresse de cet article : [https://infogm.org/article\\_journal/canada-contamination-doutils-de-recherche/](https://infogm.org/article_journal/canada-contamination-doutils-de-recherche/)