Veille citoyenne d'information sur les OGM et les semences

CANADA – L’outil informatique pour des prévisions

Par Christophe NOISETTE

Publié le 14/06/2004

Le Professeur V. Makarenkov, du département d’informatique de l’Université du Québec à Montréal, a mis au point un outil informatique permettant de développer, tester et valider de nouveaux modèles d’évolution des organismes vivants. Grâce à des serveurs et ordinateurs puissants et une base de données bioinformatique unique, V. Makarenkov et ses collaborateurs devraient pouvoir étudier et analyser à grande échelle des mécanismes génétiques importants tels que le transfert horizontal de gènes, l’hybridation d’espèces, l’évolution parallèle, la duplication et la perte de gènes au cours de l’évolution. Ces travaux permettront par exemple d’examiner l’impact potentiel sur l’environnement des organismes génétiquement modifiés et de nouvelles espèces créées par hybridation. Ces questions du domaine de la santé publique font actuellement l’objet d’études de plusieurs entreprises publiques et privées au Québec. Une telle analyse phylogénétique contribuera ainsi à l’identification des différents transferts de gènes survenus au cours de l’évolution.

Adresse de cet article : https://infogm.org/article_journal/canada-loutil-informatique-pour-des-previsions/